

Animal : **U2B2 des Tommyknockers**

N° d'identification :	<b>250 268 780 795 373</b>	Propriétaire :	<b>Anne MONACO</b>
Race :	<b>Berger Belge Malinois</b>	N° de prélèvement :	<b>E00734978</b> (prélevé le 16/08/2023)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00045266</b>
Date de naissance :	<b>19/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Alexandra PICHEREAU</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 25181)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>01/09/2023</b>	Document établi le :	<b>01/09/2023</b>

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Atrophie du Système Nerveux Central et Ataxie Cérébelleuse	SELENOP del ~17 kb	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Cardiomyopathie et Mortalité Juvénile	YARS2 c.1054G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Dégénérescence Spongieuse et Ataxie Cérébelleuse					
SDCA1	KCNJ10 c.986T>C	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
SDCA2	ATP1B2 c.130_131ins227	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **U2B2 des Tommyknockers**

N° d'identification :	<b>250 268 780 795 373</b>	Propriétaire :	<b>Anne MONACO</b>
Race :	<b>Berger Belge Malinois</b>	N° de prélèvement :	<b>E00734978</b> (prélevé le 16/08/2023)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00045266</b>
Date de naissance :	<b>19/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Alexandra PICHEREAU</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 25181)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>01/09/2023</b>	Document établi le :	<b>01/09/2023</b>

## CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a <sup>w</sup> /a <sup>w</sup>
A <sup>y</sup>	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	A <sup>y</sup> /A <sup>y</sup>
Locus D - Dilution			<b>Non Porteur Dilution (D/D)</b>
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	D/D
d <sup>2</sup>	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	D/D
d <sup>3</sup>	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	D/D
Locus E - Extension			<b>Masque Sombre (E<sup>m</sup>/E<sup>m</sup>)</b>
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e <sup>2</sup>	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e <sup>3</sup>	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E <sup>m</sup>	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E <sup>m</sup> /E <sup>m</sup>
Locus I - Intensité (i)			<b>Intensité forte à modérée (I/I)</b>
Locus K - Noir Dominant (K <sup>b</sup> )			<b>Non exprimé (k<sup>y</sup>/k<sup>y</sup>)</b>
Locus L - Longueur du Pelage			<b>Porteur poil long</b>
Locus M - Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )			<b>Poil bouclé ou ondulé (c<sup>1</sup>/c<sup>1</sup>)</b>
Locus N - Polydactylie			<b>Non porteur de polydactylie</b>
Locus O - Queue Courte			<b>Homozygote queue longue</b>
Locus P - Shedding			<b>Chute de poils abondante</b>